

Supplementary Data File

Dynamics of methylated cell-free DNA in the urine of non-small cell lung cancer patients

Ct values of *ACTB*, *CDO1*, *SOX17*, and *TAC1*. For data analysis and data visualization, Ct values of each marker are normalised to the reference gene *ACTB* and presented as square root Ct ratios.

*Case values in Figure 5 represent the mean methylation level measured in the six collected urine samples.

Cases	ACTB Ct	CDO1 Ct	TAC1 Ct	SOX17 Ct	
A	25,6	32,0	37,5	31,8	
A	28,8	Undetermined	Undetermined	35,4	
A	32,9	Undetermined	Undetermined	Undetermined	excluded
A	24,3	28,9	35,6	29,1	
A	Undetermined	Undetermined	37,0	Undetermined	excluded
A	26,4	32,6	35,3	32,3	
B	26,1	31,2	34,8	30,9	
B	24,8	30,0	31,7	29,5	
B	24,0	30,3	32,4	29,1	
B	25,9	31,1	35,5	30,7	
B	23,0	30,7	32,1	28,2	
B	23,8	30,6	32,7	29,1	
B	26,9	33,0	35,5	33,6	
C	28,7	44,7	38,0	Undetermined	
C	28,2	Undetermined	Undetermined	Undetermined	
C	28,8	Undetermined	Undetermined	Undetermined	
C	29,9	Undetermined	Undetermined	Undetermined	
C	29,5	Undetermined	Undetermined	43,6	
D	23,2	30,5	31,3	27,5	
D	23,6	31,3	31,2	28,0	
D	23,6	31,8	32,6	28,6	
D	24,2	31,8	32,7	29,1	
D	23,8	31,3	33,3	28,8	
D	24,5	32,9	33,5	28,8	
E	27,4	33,1	38,9	33,7	
E	28,0	33,7	Undetermined	34,6	
E	26,7	33,4	41,9	32,7	
E	25,9	31,4	34,9	31,5	
E	28,8	Undetermined	40,7	37,0	
E	27,2	34,2	36,0	33,9	
F	28,1	Undetermined	38,6	34,6	
F	23,7	29,1	29,9	28,3	
F	26,4	32,8	33,0	32,3	
F	32,5	Undetermined	35,4	Undetermined	excluded
F	25,2	30,4	32,2	30,6	
F	24,5	30,7	31,6	30,3	
G	23,8	32,1	32,2	28,7	
G	24,1	32,4	32,4	28,9	
G	22,9	30,2	31,0	27,7	
G	23,5	31,3	32,4	28,9	
G	24,1	32,0	31,9	28,5	
G	23,4	31,2	32,5	28,9	
H	25,8	31,8	35,8	31,4	
H	25,9	31,9	35,3	31,1	
H	26,2	32,0	37,7	33,1	
H	25,8	31,9	34,8	31,9	
H	25,0	33,5	34,7	30,9	
H	24,4	30,6	34,4	29,4	
I	23,3	31,0	31,3	29,7	
I	23,2	34,5	31,3	30,0	
I	23,1	32,3	31,1	30,0	
I	23,9	29,9	31,8	29,7	
I	23,9	30,0	32,6	30,2	
I	23,1	30,9	31,9	29,8	
J	24,0	30,1	33,3	28,7	
J	31,0	Undetermined	Undetermined	Undetermined	
J	26,8	Undetermined	Undetermined	34,1	
J	25,4	41,7	35,7	31,8	

J	32,8	Undetermined	Undetermined	Undetermined	excluded
J	24,2	29,7	32,6	29,1	
K	26,6	30,9	34,1	31,0	
K	24,8	29,9	33,8	30,6	
K	23,3	28,4	30,9	28,5	
K	23,2	28,3	31,0	28,0	
K	23,7	28,9	31,8	28,6	
K	23,9	29,1	32,8	28,6	
L	26,0	33,5	35,1	31,4	
L	26,0	32,6	38,0	30,3	
L	25,9	32,0	33,4	32,0	
L	25,2	31,2	35,0	30,0	
L	25,5	31,4	37,7	31,2	
L	25,4	33,3	41,4	30,6	
M	23,2	32,7	33,0	28,8	
M	24,9	33,9	33,5	31,0	
M	22,9	32,2	31,7	27,0	
M	24,6	36,7	33,0	29,7	
M	26,2	44,4	36,6	30,6	
M	25,5	Undetermined	34,5	31,4	
N	23,5	30,7	34,4	30,0	
N	25,4	32,5	34,2	32,4	
N	24,7	32,1	41,2	31,3	
N	23,5	30,5	42,1	30,1	
N	23,5	29,7	35,6	29,4	
N	24,6	31,6	36,7	31,4	
O	23,9	30,2	30,6	29,1	
O	29,3	Undetermined	Undetermined	35,4	
O	24,3	32,3	31,3	29,2	
O	24,0	31,8	32,0	30,0	
O	28,2	Undetermined	33,2	Undetermined	
O	26,6	34,2	34,5	33,3	
P	22,0	31,7	33,9	29,6	
P	23,3	31,1	34,3	29,1	
P	23,2	30,1	32,6	29,6	
P	23,8	31,7	33,5	29,8	
P	23,4	30,5	32,9	29,2	
P	23,1	31,1	33,2	29,5	
Q	23,7	29,5	33,9	28,6	
Q	26,1	31,9	Undetermined	32,1	
Q	26,1	34,6	38,4	31,7	
Q	28,4	40,0	Undetermined	Undetermined	
Q	27,4	38,2	Undetermined	33,9	
Q	25,9	33,7	Undetermined	32,2	
R	32,2	Undetermined	Undetermined	Undetermined	excluded
R	27,6	Undetermined	35,9	33,9	
R	23,4	33,4	34,6	30,0	
R	28,2	Undetermined	36,5	36,6	
R	23,1	32,7	38,5	29,4	
R	22,9	32,6	33,7	29,0	
S	23,0	32,7	33,3	29,8	
S	24,2	32,4	32,2	29,6	
S	24,7	33,6	34,2	30,8	
S	24,6	32,6	36,9	31,7	
S	20,3	29,2	29,5	26,6	
S	23,3	31,6	33,3	29,8	
T	23,2	25,5	29,0	26,0	
T	22,7	25,2	27,6	24,9	
T	29,1	32,3	36,4	35,0	

T	23,5	27,2	30,2	27,4
T	28,2	31,2	Undetermined	34,7
T	23,2	25,3	28,2	25,6
U	24,9	32,4	36,4	30,9
U	23,4	31,4	32,6	29,2
U	23,3	31,0	32,1	29,3
U	22,8	31,4	33,2	28,8
U	23,0	31,8	33,3	29,3
U	22,9	32,8	32,9	29,0
V	23,3	29,1	33,4	28,2
V	23,7	29,5	33,3	28,7
V	23,7	29,0	34,2	28,2
V	23,6	28,8	35,5	28,4
V	23,9	30,2	33,4	28,4
V	24,0	30,2	32,3	28,1
W	30,2	36,9	Undetermined	34,9
W	27,0	31,7	37,5	32,0
W	31,8	41,5	Undetermined	Undetermined
W	29,8	Undetermined	Undetermined	39,8
W	28,7	Undetermined	Undetermined	33,9
W	26,7	31,7	29,1	32,0

Controls	ACTB Ct	CDO1 Ct	TAC1 Ct	SOX17 Ct
1	27,0	31,6	33,7	36,2
2	23,7	33,5	30,4	36,8
3	24,2	33,0	31,0	34,7
4	24,3	30,1	30,2	35,0
5	24,8	31,9	32,2	34,0
6	24,9	29,7	30,2	34,5
7	27,6	37,6	33,7	38,2
8	24,6	31,1	30,4	35,2
9	25,0	30,8	30,9	32,8
10	24,1	34,0	30,7	34,6
11	24,8	32,4	30,4	35,3
12	30,8	41,0	Undetermined	36,1
13	25,9	34,5	32,1	38,0
14	30,4	Undetermined	Undetermined	Undetermined
15	26,6	34,0	35,3	36,7
16	22,3	29,8	27,8	30,8
17	27,4	32,6	34,5	Undetermined
18	24,4	33,8	30,3	34,7
19	23,4	33,0	30,0	41,6
20	26,3	33,6	31,5	34,9
21	23,5	30,4	29,8	34,8
22	23,6	31,6	29,5	32,8
23	25,8	33,8	32,0	Undetermined
24	25,8	34,0	32,0	34,9
25	23,3	32,1	28,9	Undetermined
26	24,7	32,9	31,5	42,3
27	30,7	Undetermined	Undetermined	Undetermined
28	28,0	37,8	34,3	Undetermined
29	24,9	32,1	29,8	35,6
30	25,9	37,6	31,0	36,5
31	24,3	30,5	30,4	32,9
32	24,2	30,5	30,7	40,7
33	31,8	Undetermined	Undetermined	Undetermined
34	28,5	37,4	Undetermined	Undetermined
35	26,6	32,8	32,0	35,2
36	24,2	33,4	29,0	32,9
37	23,9	30,9	29,1	30,6
38	26,7	35,3	33,0	39,1
39	26,3	31,5	33,2	35,9
40	24,7	33,1	32,5	Undetermined
41	24,2	31,0	30,4	40,3
42	24,8	31,2	31,7	33,5
43	23,5	29,5	28,5	32,3
44	26,2	31,5	33,0	35,4
45	24,7	31,0	31,2	34,5
46	23,4	28,6	28,8	34,3
47	24,2	30,9	28,6	31,2
48	26,0	31,8	31,9	37,1
49	27,1	32,1	33,2	Undetermined

50	23,5	31,5	29,4	31,8
51	26,3	30,6	32,4	Undetermined
52	23,3	31,8	29,0	32,0
53	23,6	33,6	29,7	34,5
54	24,0	29,7	30,5	35,7
55	22,8	30,6	29,3	34,3
56	23,6	33,3	30,2	34,2
57	23,8	32,4	29,5	32,9
58	24,1	31,2	31,6	34,2
59	26,3	31,2	32,8	36,0
60	23,5	31,9	29,0	33,5