

Supplemental Table T3. Illumina 16S rRNA sequence data for environmental samples, showing the relative contribution (in %) of all taxa identified.

Domain	Phylum	Subgroup	Bubbling Pool Sediment	Surface biofilm	Pool Sediment
Archaea					
	<i>Crenarchaeota</i>		8.19	6.31	0.11
	<i>Euryarchaeota</i>		0.13	1.08	0.00
	<i>Ca. Parvarchaeota</i>		0.00	0.02	0.00
Bacteria					
	AD3		0.93	0.52	0.00
	<i>Acidobacteria</i>		16.97	18.81	9.47
	<i>Actinobacteria</i>		1.90	2.24	3.97
	<i>Armatimonadetes</i>		0.21	0.06	0.02
	BHI80-139		0.02	0.00	0.00
	<i>Bacteroidetes</i>		0.26	0.10	4.90
	<i>Chlamydiae</i>		0.28	0.75	0.01
	<i>Chlorobi</i>		0.00	0.00	0.01
	<i>Chloroflexi</i>		21.94	7.01	0.11
	<i>Cyanobacteria</i>		0.16	0.69	0.10
	<i>Elusimicrobia</i>		0.43	1.09	0.11
	FCPU426		0.06	0.02	0.00
	<i>Firmicutes</i>		1.15	1.89	1.79
	<i>Fusobacteria</i>		0.04	0.00	0.00
	GAL15		0.10	2.70	0.01
	<i>Gemmatimonadetes</i>		0.02	0.57	3.29
	<i>Nitrospirae</i>		3.95	1.54	0.04
	OD1		0.01	0.01	0.01
	OP3		0.00	0.05	0.00
	<i>Planctomycetes</i>		6.85	6.77	1.55
	<i>Proteobacteria</i>				
		<i>Alphaproteobacteria</i>	15.34	26.88	12.66
		<i>Betaproteobacteria</i>	5.70	4.36	12.43
		<i>Deltaproteobacteria</i>	1.73	9.33	4.24
		<i>Gammaproteobacteria</i>	9.08	2.74	43.53
	<i>Spirochaetes</i>		0.00	0.24	0.16
	TM6		0.01	0.33	0.02
	<i>Verrucomicrobia</i>		0.06	0.15	0.41
	WPS-2		1.87	1.97	0.19
	ZB3		0.00	0.01	0.00
	<i>Ca. Thermi</i>		0.00	0.01	0.00
Unassigned			2.59	1.75	0.86