

Suppl Table S1 Proteins present in RNPs assembled on nuclear retention element or the antisense of NRE with or without biotin labelling

Genes	NRE+		NRE-		AS-NRE+		NRE+ / NRE-	NRE+ / AS-NRE+	M.W
	U	T	U	T	U	T			
PTBP1	10	12	4	4	7	7	3:1	1.7:1	57.2
DHX9	30	30	15	15	17	17	2:1	1.8:1	140.9
RAVER1	23	23	5	5			4.6:1		79.5
hnRNPK	1	16			1	12		1.3:1	50.9
hnRNPA1	12	15							33.1
HNRNPU	18	18	9	9	13	13	2:1	1.4:1	88.9
HNRNPL	15	16	2	2	11	11	8:1	1.5:1	58.4
MATR3	17	17			8	8		2.1:1	94.6
ILF3	15	17	3	3	8	8	5.7:1	2.1:1	74.6
Ilf2	9	9	3	3	4	4	3:1	2.3:1	43.0
CCAR2	1	7							17.5
ELAVL1	8	8	3	3	4	4	2.7:1	2:1	36.1
YBX1	3	9			1	4		2.3:1	35.9
YBX3	3	9							37.0
hnRNPD	9	10			4	5		2:1	23.9
FAM120A	14	14							121.8
ALB	8	8							51.5
PTBP3	5	7							56.5

ZFR	10	10							116.9
HNRNPUL1	8	8							84.4
STRBP	6	8							71.9
SNRPA	2	3							31.3
RPS7 (S7)	3	3							21.3
Ruvbl2	6	6							46.3
CCT2	6	6							52.7
SNRPD1	3	3	2	2	2	2	1.5:1	1.5:1	13.3
HNRNPC	6	6							25.2
BUB3	6	6							31.7
CCT7	5	5							37.5
hnRNPLL	3	4							56.4
ARG1	4	4	2	2			2:1		25.3
TROVE2	4	4							58.4
EIF4A3	1	3							46.8
CCT5	4	4							55.3
FUBP1	3	3							67.5
SSb	3	3							46.8
PPP1CA	3	3							32.6
SF3A3	4	4	2	2	5	5	2:1	0.8:1	52.4
HNRNPH3	3	4							35.2

SNRNP70	3	3			3	3		1:1	19.8
SMCHD1	3	3	1	1	1	1	3:1	3:1	226.2
RBBP4	1	3							43.5
SMC1A	3	3							59.1
HNRNPR	3	23			3	24		1:01	70.9
HNRNPA2B	11	15	4	7	17	22	2.1:1	0.7:1	37.4
SF3B3	15	15			12	12		1.3:1	135.5
SNRPD2	4	4	4	4	4	4	1:1	1:1	12.4
SNRPD3	3	3	3	3	3	3	1:1	1:1	13.3
SFPQ	4	4	7	7	6	6	0.6:1	0.7:1	76.1
PSMA6	3	3	2	2			1.5:1		11.6
ACACA	84	97	81	94	84	97	1:01	1:1	265.4
PRKDC	89	89	76	76	92	92	1.2:1	1:01	465.1
ACACB	30	43	29	42	32	45	1:1	1:01	276.4
PYC	39	39	34	34	36	36	1.5:1	1.1:1	129.6
SYCRIP	16	19			16	21		0.9:1	65.6
EEF1A1	4	11	10	10	4	11	1.1:1	1:1	50.1
ACTB	6	13	6	11	7	13	1.2:1	1:1	41.7
TUBA1C	5	12	5	12	5	12	1:1	1:1	49.9
HSPA8	13	16	13	16	13	16	1:1	1:1	70.9
HNRNPM	14	16	16	16	12	14	1:1	1.1:1	73.6

SLC3A2	19	19	16	16	20	20	1.2:1	1:01	57.9
TUBB	4	13	12	12	5	15	1.1:1	0.9:1	49.6
DSP	29	29	23	23	36	36	1.3:1	0.8:1	331.6
EEF1A2	1	8			1	8		1:1	50.4
TUBA4A	3	10	2	9	3	10	1.1:1	1:1	48.3
HSPA1A	8	10	9	11			0.9:1		63.9
LMNA	10	10	7	7			1.4:1		65.1
HNRNPA3	8	10	1	2	11	13	5:1	0.8:1	37.0
HNRNPH1	5	8	3	5			1.6:1		47.1
GAPDH	8	8	7	7	8	8	1.2:1	1:1	36.0
TUBB4B	1	10			1	11		0.9:1	49.8
ACTC1	3	10	2	7	2	8	1.4:1	1.2:1	42.0
GNB2L1	15	15	15	15	14	14	1:1	1.1:1	35.1
XPO1	17	17	14	14	17	17	1.2:1	1:1	123.3
IGF2BP3	8	11			9	12		0.9:1	63.7
HSPB1	8	8	7	7	6	6	1.2:1	1.3:1	22.8
DDX39A	11	11	10	10	9	9	1.1:1	1.2:1	49.1
HNRNPF	5	7	3	5	7	9	1.4:1	0.8:1	45.6
HSP90AB1	7	12	6	10	8	17	1.2:1	0.7:1	83.2
MYH7	7	19	4	10	3	13	1.9:1	1.5:1	223.0
PHGDH	11	11	10	10	11	11	1.1:1	1:1	56.6

JUP	8	12	8	8	14	14	1.5:1	0.9:1	81.7
DDX5	9	12	7	9	5	9	1.3:1	1.3:1	60.5
DDX17	8	11	6	8	9	13	1.4:1	0.9:1	72.3
IGF2BP1	11	13			10	12		1.1:1	63.4
GCN1L1	21	21	19	19	20	20	1.1:1	1.1:1	292.6
MCCC2	13	13	16	16	14	14	0.8:1	0.9:1	61.3
RNH1	11	11	11	11	11	11	1:1	1:1	49.9
DSG1	11	11	11	11	13	13	1:1	0.9:1	113.7
MCCC1	9	9			9	9		1:1	80.4
AHNAK	16	18	7	7	23	26	2.6:1	0.7:1	628.7
HNRNPA0	3	5	3	4	4	6	1.3:1	0.8:1	30.8
ANXA2	10	10	8	8	7	7	1.3:1	1.4:1	38.6
PCCA	11	11	10	10	11	11	1.1:1	1:1	77.0
PUF60	8	8	7	7	6	6	1.2:1	1.3:1	54.0
RPS3	8	8	7	7	9	9	1.2:1	0.9:1	26.7
CSE1L	15	15	13	13	13	13	1.2:1	1.1:1	107.7
MSH2	14	14	12	12	15	15	1.2:1	0.9:1	104.7
EIF3C	11	11	10	10	8	8	1.1:1	1.4:1	104.0
RUVBL1	8	8	6	6	10	10	1.3:1	0.8:1	50.2
EIF4A1	4	6	7	7			0.9:1		46.1
EIF3F	4	4	3	3			1.3:1		37.5

CCT6A	6	6	4	4			1.5:1		53.3
EIF3B	11	11	13	13	13	13	0.9:1	0.9:1	92.4
RPSA	7	7	7	7	6	6	1:1	1.2:1	29.4
EEF1G	8	8	9	9	9	9	0.9:1	0.9:1	50.1
SF3B1	12	12	15	15	15	15	0.8:1	0.8:1	145.7
MYH6	1	13	1	7	1	11	1.9:1	1.2:1	223.6
IGF2BP2	5	7			7	9		0.8:1	61.8
SLC7A5	4	4	3	3	3	3	1.3:1	1.3:1	55.0
CLTC	11	11	12	12	16	16	0.9:1	0.7:1	187.8
SF3A1	11	11	12	12	10	10	0.9:1	1.1:1	88.8
PKM	10	10			10	10		1:1	57.9
HSP90AA1	5	10	2	6	8	15	1.7:1	0.7:1	84.6
DCD	3	3	3	3	2	2	1:1	1.5:1	11.3
HSPA5	6	8	5	7	5	7	1.2:1	1.1:1	72.3
HNRNPAB	4	5	1	2	3	4	2.5:1	1.3:1	30.3
PCCB	8	8	9	9	7	7	0.9:1	1.1:1	45.4
PCNA	7	7	6	6	7	7	1.2:1	1:1	28.8
EIF3L	9	9	12	12	12	12	0.8:1	0.8:1	61.0
SNRPA1	5	5	6	6	5	5	0.8:1	1:1	28.4
EIF3E	8	8	8	8	5	8	1:1	1:1	52.2
CCT3	5	5	4	4	5	5	1.3:1	1:1	55.6

PIP	5	5	6	6	6	6	0.8:1	0.8:1	16.6
AZGP1	8	8	7	7	10	10	1.2:1	0.8:1	34.2
NCL	8	8	10	10	6	6	0.8:1	1.3:1	76.6
TCP1	9	9	4	4	9	9	2.3:1	1:1	60.3
S100A8	3	3	2	2	3	3	1.5:1	1:1	10.8
EIF3G	5	5	3	3	5	5	1.7:1	1:1	35.6
CDK1	8	8	8	8	5	7	1:1	1.1:1	34.1
TKT	5	5	2	2	3	3	2.5:1	1.7:1	62.8
PABPC1	9	9	3	3	11	14	3:1	0.6:1	61.1
EIF3A	11	11	9	9	6	6	1.2:1	1.8:1	162.5
SF3B2	6	6	7	7	7	7	0.9:1	0.9:1	98.1
PDCD4	5	5	3	3	4	4	1.7:1	1.3:1	50.5
GTF2I	7	7	7	7	10	10	1:1	0.7:1	107.9
CCT8	5	5			7	7		0.7:1	57.6
DHX15	8	8	7	7	6	6	1.2:1	1.3:1	90.9
KARS	4	4	2	2			2:1		68.0
PCBP1	4	5	2	3	2	3	1.7:1	1.7:1	37.5
RPS11	4	4	4	4	3	3	1:1	1.3:1	18.4
VAT1	3	3	4	4	5	5	0.8:1	0.6:1	34.9
UBA52	3	3	3	3			1:1		7.1
BZW1	7	7	7	7			1:1		40.5

SCAMP3	3	3	2	2			1.5:1		35.2
RPS3A	3	3	4	4			0.8:1		22.4
PDS5A	6	6	4	4	5	5	1.5:1	1.2:1	150.7
ENO1	4	4	2	2	6	6	2:1	0.7:1	47.1
CSTA	4	4	3	3	3	3	1.3:1	1.3:1	11.0
MSH6	6	6	11	11	9	9	0.6:1	0.7:1	152.7
RPS10	3	3	3	3	3	3	1:1	1:1	18.9
PRDX1	3	4	2	3	3	4	1.3:1	1:1	22.1
U2AF2	3	3	3	3	3	3	1:1	1:1	33.9
XPO5	8	8	6	6	6	6	1.3:1	1.3:1	136.2
RFC2	5	5	4	4	5	5	1.3:1	1:1	35.2
RPS12	5	5	5	5	5	5	1:1	1:1	14.5
DSC1	6	6	3	3	5	5	2:1	1.2:1	93.8
PCBP2	2	3	2	3	3	4	1:1	0.8:1	31.7
RPS19	3	3	3	3	5	5	1:1	0.6:1	16.1
SNRNP200	6	6	8	8	7	7	0.8:1	0.9:1	244.4
SLC16A3	3	3	3	3	2	2	1:1	1.5:1	49.4
CASP14	3	3	1	1	2	2	3:1	1.5:1	27.7
SPTAN1	8	8	8	8	7	7	1:1	1.1:1	282.1
ASS1	4	4	3	3	3	3	1.3:1	1.3:1	46.5
EIF3D	4	4	3	3	4	4	1.3:1	1:1	58.1

PRDX2	3	4	3	4	3	4	1:1	1:1	21.9
HRNR	3	3	2	2	1	1	1.5:1	3:1	282.2
PFKP	6	6	7	7			0.9:1		85.3
FANCI	6	6	6	7	6	7	0.9:1	0.9:1	149.2
TNPO3	4	4	6	6	6	6	0.7:1	0.7:1	97.3
DNAJA2	3	3	2	2			1.5:1		45.7
RPS16	4	4	5	5	4	4	0.8:1	1:1	14.4
PRPF19	5	5	2	2	6	6	2.5:1	0.8:1	55.1
GNAS	6	6	7	7	8	8	0.9:1	0.8:1	44.2
EIF3I	4	4	5	5	3	3	0.8:1	1.3:1	36.5
TBL1XR1	3	3	2	2	3	3	1.5:1	1:1	55.6
SERPINB12	3	3	3	3	4	4	1:1	0.8:1	46.2
XRCC6	7	7	4	4	10	10	1.8:1	0.7:1	64.2
ALDOA	4	4	5	5	7	7	0.8:1	0.6:1	39.4
TRIM28	5	5	2	2	4	4	2.5:1	1.3:1	79.4
DARS	5	5			5	5		1:1	57.1
CDKN2AIP	4	4			3	3		1.3:1	61.1
DDX46	6	6	5	5	6	6	1.2:1	1:1	117.3
RPS4X	3	3	3	3	4	4	1:1	0.8:1	29.6
TOE1	3	3			3	3		1:1	56.5
S100A7	3	3	2	2	4	4	1.5:1	0.8:1	11.5

LDHB	4	4			5	5		0.8:1	36.6
Septin-9	5	5	4	4	7	7	1.3:1	0.7:1	63.5
RFC5	5	5			4	4		1.3:1	36.1
HNRNPM	1	3			1	3		1:1	40.0
XRN2	4	4			4	4		1:1	99.9
FUS	3	3	2	2	3	3	1.5:1	1:1	53.3
DDB1	5	5	3	3	3	3	1.7:1	1.7:1	121.6
EIF3M	3	3	3	3	5	5	1:1	0.6:1	21.7
RPS25	3	3	4	4	3	3	0.8:1	1:1	13.7
EPRS	6	6	4	4	5	5	1.5:1	1.2:1	170.5
RFC4	4	4	7	7	6	6	0.6:1	0.7:1	39.7
ECM29	4	4	6	6	6	6	0.7:1	0.7:1	204.2
RBM17	3	3	2	2			1.5:1		44.9
KDM1A	4	4	3	3	4	4	1.3:1	1:1	92.8
RPS8	3	3			2	2		1.5:1	21.9
MCM3	4	4	2	2	5	5	2:1	0.8:1	90.9
CCT4	7	7	4	4	8	9	1.8:1	0.8:1	52.3
ATP1A1	4	4	3	3			1.3:1		109.5
DDX1	4	4	1	1	7	7	4:1	0.6:1	82.4
XRCC5	5	5	4	4	7	7	1.3:1	0.7:1	82.7
PPIA	3	3	2	2	4	4	1.5:1	0.8:1	13.0

EFTUD2	3	3	5	5	7	8	0.6:1	0.4:1	105.3
SERPINB3	4	4	2	2	5	8	2:1	0.5:1	44.5
TGM3	3	3	7	7	5	5	0.4:1	0.6:1	76.6
IPO7	4	4	6	6	5	5	0.7:1	0.8:1	119.4
FHL2	3	3	2	2	1	1	1.5:1	3:1	32.2
IARS	4	4	2	2	2	2	2:1	2:1	131.7
EWSR1	4	4	3	3	3	3	1.3:1	1.3:1	61.2
CAT	3	3	3	3	2	2	1:1	1.5:1	59.7
ACTN4	4	4			4	4		1:1	104.8
SND1	3	3			4	4		0.8:1	101.9
XPO7	5	5	5	5	6	6	1:1	0.8:1	123.8
FASN	3	3	3	3	1	1	1:1	3:1	273.3
FLNA	4	4			11	11		0.4:1	276.4
PSMD2	3	3	2	2	5	5	1.5:1	0.6:1	82.1
PKP1	3	3	2	2	3	3	1.5:1	1:1	80.4
RFC3	3	3	4	4	5	5	0.8:1	0.6:1	34.7
RAN	3	3			2	2		1.5:1	22.4
RBBP7	1	3			2	2		1.5:1	46.9
RCC2	3	3			5	5		0.6:1	56.0
RPN1	3	3			2	2		1.5:1	68.5
RCN1	3	3	3	3	4	4	1:1	0.8:1	33.0

PRPF8	3	3	4	4	4	4	0.8:1	0.8:1	273.4
MCM4	4	4	3	3	6	6	1.3:1	0.7:1	96.5
SEPTIN2	3	3	5	5	4	4	0.6:1	0.8:1	36.9
H3BN98	3	3	2	2	3	3	1.5:1	1:1	27.2
RPS13	3	3	2	2			1.5:1		16.7
FOXP4	3	3	1	1	2	2	3:1	1.5:1	72.2
PLAA	3	3	1	1	1	1	3:1	3:1	66.7
TFRC	3	3	1	1	5	5	3:1	0.6:1	84.8
COPG1	3	3			4	4		0.8:1	97.7
IGHA1	3	3			4	7		0.4:1	37.6
RNPUL2-BS	3	3			2	2		1.5:1	84.6
TRIP13	3	3	1	1	3	3	3:1	1:1	48.5
EEF2	3	3	2	2	2	3	1.5:1	1:1	95.3
PSMD3	3	3	2	2	2	2	1.5:1	1.5:1	60.9
CHERP	3	3	2	2	2	2	1.5:1	1.5:1	103.6
ATXN10	3	3			3	3		1:1	46.3